

Biologie Moleculaire Du Gene French I Multi

Biologie moléculaire du gène

Une mise au point très didactique de connaissances les plus actuelles dans le domaine de la biologie génétique et la biologie moléculaire. Les notions fondamentales permettant de comprendre comment passer du gène à la protéine : structure du DNA et des RNA, transcription, traduction, réplication, principales régulations, et aussi des données très nouvelles comme le codon sélénocystéine, les microsatellites et les maladies à répétition de nucléotides, les mutations des enzymes de réparation, la transduction du signal, les récepteurs à 7 passages membranaires, le clonage des mammifères. La structure et l'expression des virus de l'hépatite, du sida (avec les notions nouvelles sur les co-récepteurs, le mode d'action des antiprotéases). Oncogènes et proto-oncogènes. Les principaux "outils " de la biologie moléculaire (enzymes, vecteurs, sondes), les techniques générales (marquage, criblage de banques, séquençage, Southern, PCR, etc.) ou plus particulières (gène reporter, synthèse des oligonucléaires, DNA branché, etc.). Les applications dans la recherche fondamentale, l'industrie pharmaceutique, la médecine. Le transfert des gènes (animaux transgénétiques et thérapie génique).

Cet ouvrage décrit de manière synthétique la structure de la cellule vivante, son fonctionnement, les interactions entre ses différents compartiments ainsi que les relations qu'elle entretient avec les autres cellules de l'organisme.

Although the phenomenon of lateral gene transfer has been known since the 1940's, it was the genomics era that has really revealed the extent and many facets of this evolutionary/genetic phenomenon. Even in the early 2000s with but a handful of genomes available it became clear that the nature of microorganisms is full of genetic exchange between lineages that are sometimes far apart. The years following this saw an explosion of genomic data, which shook the "tree of life" and also raised doubts about the most appropriate species concepts for prokaryotes. This book attempts to represent the many-fold contributions of LGT to the evolution of micro and, to an extent, macro-organisms by focusing on the areas where the Editor felt it had the largest impact: metabolic innovations and adaptations and speciation.

Cet ouvrage didactique présente, de façon simple et concise, les principes d'approches utilisées dans les laboratoires pour décrire le fonctionnement des cellules et de leurs matériels génétiques. Il couvre les techniques de bases de la biologie moléculaire, intègre les

techniques récentes de la génomique et aborde les traitements bio-informatiques. Le **Xe siècle** a été marqué dans le domaine de la biologie moderne par le formidable essor de la biologie moléculaire. Si les progrès de la génétique fascinent et éblouissent tout à la fois, on en parvient à oublier que l'histoire de cette discipline est avant tout une fabuleuse épopée humaine... Cet ouvrage, construit comme un conte scientifique, apporte au lecteur une vision concise et historique des découvertes en la matière. Il se divise en trois époques, correspondant aux origines, aux fondements et aux développements actuels de la biologie moléculaire. Il est passionnant de suivre l'évolution si rapide de cette science qui a débuté il y a plus d'un siècle dans le discret jardin d'un monastère de Brno par de subtiles expériences sur le petit pois et qui s'illustre à la fin du **Xxe siècle** dans de grands laboratoires par le séquençage du génome humain. Tout va trop vite, nous dit Simone Gilgenkrantz dans sa préface. Dans ce livre, ambitieux et modeste à la fois, relatant avec aisance l'histoire - parfois pleine de bruit et de fureur - de la biologie moléculaire et des hommes qui l'ont portée, Christophe Ronsin fait oeuvre de passeur, passeur de rêve et de mémoire.

L'ouvrage :
• Une mise au point très didactique des connaissances les plus actuelles dans le domaine de la biochimie génétique et de la biologie moléculaire
• Les notions fondamentales permettant de comprendre comment passer du gène à la protéine : structure du DNA et des RNA, transcription, traduction, réplication, principales régulations, et aussi des donnée très nouvelles comme le codon sélénocystéine, les microsatellites et les maladies à répétition de nucléotides, les mutations des enzymes de réparation, la transduction du signal, les récepteurs à 7 passages membranaires, le clonage des mammifères
• La Structure et l'expression des virus de l'hépatite, du sida (avec les notions nouvelles sur les co-récepteurs, le mode d'action des antiprotéases). Viroïdes et prions. Oncogènes et proto-oncogènes
• Les principaux " outils " de la biologie moléculaire (enzymes, vecteurs, sondes), les techniques générales (marquage, criblage de banques, séquençage, Southern, PCR, etc.) ou plus particulières (gène reporter, synthèse des oligonucléofides, DNA branché, etc.)
• Les applications dans la recherche fondamentale, l'industrie pharmaceutique, la médecine. Le transfert des gènes (animaux transgénétiques et thérapie génique). Le public :
• Les étudiants de 1er cycle de médecine, de pharmacie et de sciences
• Les candidats au concours de l'Internet
• Les étudiants préparant une maîtrise, un DEA
• Tout biologiste ou clinicien qui souhaite acquérir les nations essentielles pour comprendre les travaux scientifiques traitant de biologie moléculaire.

Outils de biologie moléculaire V

Outils de biologie moléculaire IV

Techniques de biologie moléculaire I

Biochimie génétique, biologie moléculaire

Tissu Specific Gene Expression

Le hasard au cœur de la cellule

Histoire des premiers artisans

BIOLOGIE MOLEULAIRE D'UN GENE INDIU PAR L'ETHYLENE, CODANT POUR UNE PROTEINE PR

Histoire de la biologie moléculaire

Nombre de progrès les plus spectaculaires enregistrés aujourd'hui dans les sciences de la vie sont les fruits d'une discipline très récente, la biologie moléculaire, née dans les années 1940. Ce livre retrace l'histoire passionnante ¶; et trop peu connue ¶; de cette jeune science. (Cet éditi n num rique reprend,   l'identique, la 2   dition de 2003.) Nombre de progr s les plus spectaculaires enregistr s aujourd'hui dans les sciences de la vie sont les fruits d'une discipline tr s r cente, la biologie mol culaire, n e dans les ann es 1940. C'est l'histoire passionnante ¶; et trop peu connue ¶; de cette jeune science, en explorant ses diff rentes facettes, scientifique, philosophique et sociale. Une histoire qui court de la convergence progressive de ses deux disciplines m res, la g n tique et la biochimie, au d but du **XXe** si cle, jusqu'  la mise en oeuvre de la technique PCR d'amplification des g nes au cours des ann es 1980. En mobilisant syst matiquement les nombreuses  tudes sp cialis es, peu connues du public fran ais, et ses propres recherches, Michel Morange offre ici aux lecteurs non sp cialistes des explications claires sur une th orie et des techniques complexes, et apporte aux sp cialistes une mise en perspective historique indispensable pour mieux comprendre les enjeux actuels des recherches en biologie. (Cet   dition num rique reprend,   l'identique, la 2   dition de 2003.) Les techniques de biologie mol culaire sont des m thodes couramment utilis es en biologie mol culaire, biochimie, g n tique et biochimie qui impliquent g n ralement la manipulation et l'analyse de DNA, RNA, des prot ines et des lipides. Contenu de ce livre: Biologie mol culaire, G n tique mol culaire, Techniques de g n tique g n rique. Un bref r sum . Outils de g n tique mol culaire, Anatomie, Techniques de biologie mol culaire, Affinity capture, Balayage   l'alanine, Oligonucletide sp cifique   un all le, AMPLI, ATAC-seq, MS interf rom trie en couches, essa DNA ramifi , comptage cellulaire, culture cellulaire 3D par levitation magn tique, culture cellulaire, culture de cellules non mammif res, lign es cellulaires g n miques, milieu chimiquement d fini, Chem-seq, ChIA-PET, ChIL-sequencing, ChIP-exo, ChIP-on-chip, ChIP-sequencing, Immunopr cipitation Chromatine, Chromog ne in situ hybridization, COL-D-PCR, Colonie hybridation, Analyse de restriction de bisulfite cobaltine, Community fingerprinting, Competition-CHIP, DNA footprinting, DNA microarray, DNA s quen age, s qu ence parall le massif, DNA brassage, DNA Sp cimen Provenance Assignment, DNase-Seq, Dot blot, DRIP-seq, Eastern Blot, EHA101, End-s quence profilage, Exome sequencing, test d'extension Poly(A), FAIRE-Seq, Far-eastern blot, Far-western blot, Prot lyse parall le rapide, glucide assist  par fluorophore electrophoresis, transfert d' nergie par r sonance de F rster, fonction-espaceur-lipide Construction Kodel, Gel doc

Du g ne de l'immortalit  des cellules souches embryonnaires aux g nes dont les mutations sont responsables de pathologies diverses en passant par l'app tit, le langage, etc., la liste de nouveaux g nes mis en  vidence, ces derni res ann es, n'en finit pas. Le lien entre les g nes et les caract res qu'ils gouvernent constitue le coeur de la biologie mol culaire. Les applications et les retomb es sociales de ces connaissances rendent de plus en plus n cessaire la compr hension de cette discipline.  crit, dans un style clair et accessible, par de grands sp cialistes mondiaux de biologie mol culaire dont le Prix Nobel, d couvreur de la double h lice de l'ADN, James Watson, ce livre int gre les principaux aspects : les propri t s physicochimiques et les bases structurales des acides nucl iques et des prot ines ; les m canismes de la maintenance et de l'expression du g nome ; les m canismes de r gulation ; les m thodes, Par ailleurs, des approfondissements (th oriques ou exp rimentaux) et des applications en clinique humaine sont propos s sur des domaines   la pointe du progr s. Enfin, cet ouvrage se distingue aussi par la large place donn e   l'histoire de cette discipline. La compr hension et l'int gration des connaissances sont facilit es gr ce   : des sch mas clairs et bien l gend s, accompagn s d'une abondante iconographie ; des encadr s " Pour aller plus loin " ; " Applications en clinique humaine " ; " Exp riences cl s " ; " Techniques " ; qui aiguisent l'int r t du lecteur ; u glossaire-dictionnaire fran ais-anglais comprenant plus de 700 d finitions. Cet ouvrage, qui a b n fici  d'une traduction-actualisation de qualit  gr ce   une  quipe p dagogique hautement qualifi e et sp cialis e, constitue un manuel d'initiation parfaitement adapt  pour accompagner l' tudiant d s les premi res ann es de son cursus. Il comblera  galement les attentes de tous les  tudiants de 3  cycle et des scientifiques   la recherche d'un ouvrage de synth se r cent qui comprend les derni res d couvertes : par exemple, dans les nouveaux chapitres sur les ARN r gulateurs, sur l'analyse du g nome et la biologie des syst mes. Il constituera aussi un support actualis  pour les enseignants.

La biologie mol culaire est une discipline qui   boulevers  les sciences du vivant. De nombreux laboratoires et  quipes se tournent de plus en plus vers les techniques d'analyse et de caract risation d'acides nucl iques afin d'am liorer leurs connaissances d'un m canisme biologique particulier. L'objectif de cet ouvrage, pr sent  sous forme de fiches, est, non pas de d tailler des protocoles ou des recettes toutes faites, mais d'expliquer simplement les principes th oriques de cette discipline.  crit, dans un style clair et accessible, par de grands sp cialistes mondiaux de biologie mol culaire dont le Prix Nobel, d couvreur de la double h lice de l'ADN, James Watson, ce livre int gre les principaux aspects : les propri t s physicochimiques et les bases structurales des acides nucl iques et des prot ines ; les m canismes de la maintenance et de l'expression du g nome ; les m canismes de r gulation ; les m thodes, Par ailleurs, des approfondissements (th oriques ou exp rimentaux) et des applications en clinique humaine sont propos s sur des domaines   la pointe du progr s. Enfin, cet ouvrage se distingue aussi par la large place donn e   l'histoire de cette discipline. La compr hension et l'int gration des connaissances sont facilit es gr ce   : des sch mas clairs et bien l gend s, accompagn s d'une abondante iconographie ; des encadr s " Pour aller plus loin " ; " Applications en clinique humaine " ; " Exp riences cl s " ; " Techniques " ; qui aiguisent l'int r t du lecteur ; u glossaire-dictionnaire fran ais-anglais comprenant plus de 700 d finitions. Cet ouvrage, qui a b n fici  d'une traduction-actualisation de qualit  gr ce   des traducteurs p dagogues, hautement qualifi s et sp cialis s, constitue un manuel de cours d'initiation parfaitement adapt  pour accompagner l' tudiant d s les premi res ann es de son cursus. Il comblera  galement les attentes de tous les  tudiants de 3  cycle et des chercheurs   la recherche d'un ouvrage de synth se r cent qui comprend les derni res avanc es scientifiques : par exemple, dans les nouveaux chapitres sur les ARN r gulateurs, sur l'analyse du g nome et la biologie des syst mes. Il constituera aussi un support actualis  pour les enseignants.

Cet l'odyss e de la biologie mol culaire que l'auteur se propose de conter dans ce livre. Quelles ont  t  les grandes figures qui en ont influ ch  le cours? Comment est-on pass  de la croyance abstraite en des "atomes" charg s d'h r dit    la connaissance exacte des m canismes de cette-ci? Quelles sont les applications -  conomiques et th rapeutiques- des d couvertes fondamentales? Les ouvrages de la collection « Mini manuels » pr sentent sous une forme concise et attractive (2 couleurs, nombreux sch mas) les notions essentielles. Le cours est illustr  par des encarts apportant des compl ments techniques. En fin de chapitre, un rappel des points clefs, des exercices, des QCM ou des QROC, tous corrig s, permettent de tester ses connaissances et de s'entra ner avant l' preuve. Cet ouvrage pr sente les connaissances de base sur la structure des acides nucl iques, sur les processus de r plication et de r paration de ces mol cules, et sur le r le de l'ADN et de l'ARN dans le fonctionnement cellulaire. Dans cette nouvelle  dition, actualis e, une partie des exercices a  t  renouvel e.

S'ouvrant par les objectifs et la r alisation concr te des divers projets g n miques, ce volume en couleurs couvre les bases de l'analyse des g nomes, tant chez les procaryotes que chez les eucaryotes, et expose les outils informatiques et statistiques auxquels elle fait appel. Bas e sur des techniques d'archivage et d'analyse des r sultats, cette nouvelle m thode d'analyse g n mique permet, au d part des s quences g n miques, de rep rer des g nes, de leur attribuer une fonction potentielle, de cr er des atlas de l'expression g n rique au cours du cycle cellulaire, de caract riser la diversit  g n tique au sein d'esp ces. Ce Pr cis de g n mique montre combien cette discipline en plein essor combine les approches de la g n tique et de la biologie mol culaire. Structur e en 6 chapitres comportant chacun un r sum , des questions pouvant susciter une r flexion philosophique et des probl mes n cessitant l'utilisation d'Internet, cette excellente

BIOLOGIE MOLEULAIRE ET GENETIQUE CHEZ LES MYCOBACTERIES

DEUX ASPECTS DE LA BIOLOGIE MOLEULAIRE DU VIRUS DE LA MOSAIQUE DU CHOU-FLEUR (CAMV)

STRATEGIE DE TRADUCTION DE LA PROTEASE CODEE PAR LE GENE V ET ETUDE DE L'ACTIVITE ENZYMATIQUE IMPLIQUEE DANS LA MATURATION DU PRODUIT DU GENE II

Biologie Cellulaire Et Moleculaire de la Relation Materno-fœtale

P cis de g nomique

Outils de biologie mol culaire I

L'histoire de la biologie mol culaire

Pionniers & h ros

Une introduction aux m canismes des maladies h r ditaires

Contenu de ce livre: CRISPR  dition de g ne, synopsis, g ne du g nome, criblage CRISPR, applications, CRISPR, structure de locus, m canisme,  volution, identification, utilisation par phages, applications,  dition Prime,  dition du g nome, Processus de d veloppement, Implications, Anti-CRISPR, Types, Structure, Fonction, M canismes, Applications, Transfection, Terminologie, M thodes, Stable et transitoire transfection, RNA transfection, Gene knock-in, Versus gene knockout, G ne knockout, m thodes, GeneTalk, Haplirithm, Haplirithmis, Helicase-dependant amplification, Immunoprecipitation, Types, M thodes, Avanc es technologiques, Protocole, Focalisation isolectrique, Proc dure, Cellules vivantes, Sur puce microfluidique, Multi-jonction, Isopeptag, Jumping library, Invention et premi res am liorations, M thode actuelle, Applications, Knockout moss, Exemples, Kodecay, La technologie, M thodologie, Koderivon, R action en cha ne par ligase, Ligation (biologie mol culaire), R action de ligation, Facteurs affectant la ligation, Ligature   extr mit  collante, Ligature   extr mit   thosog ne, Directives g n rales, D pannage, Autres m thodes de ligation DNA, assist e par aimant transfection, MassTag-PCR, S qu n age de Maxam-Gilbert, M thodes pour  tudier les interactions mol culaires, M thodes biochimiques, M thodes biophysiques et th riques, M thodes g n tiques, M thodes informatiques, Mati re noire microbiome

LE GROUPE DE PROTEINES PR PATHOGENESIS RELATED ENGL BE DES PROTEINES QUI SONT SYNTH TIS ES PAR LA PLANTE EN REPONSE   DES STIMULI VARI S TELS QUE L'ATTAQUE PAR UN AGENT PATHOGENE OU L'EXPOSITION   DES PRODUITS CHIMIQUES. LE GENE PRB-1B DE NICOTIANA TABACUM CODE POUR UNE PROTEINE PR-1 DE TYPE BASIQUE. SON EXPRESSION EST INDUITE PAR L'ETHYLENE DE FACON RAPIDE AU NIVEAU TRANSCRIPTIONNEL, INDEPENDamment DU STADE DE D VELOPPEMENT. POUR CETTE RAISON, L'EXPRESSION DU GENE PRB-1B OFFRE UN MODELE ADEQUAT   L'ELUCIDATION DE MECANISMES SPECIFIQUES DE REGULATION TRANSCRIPTIONNELLE. L'ANALYSE DE DELETIONS DANS DES PLANTES TRANSGENIQUES DE TABAC A PERMIS LA CARACTERISATION D'UN ELEMENT PROMOTEUR MINIMAL APTE   PROMOUVOIR L'INDUCTION PAR L'ETHYLENE. DES SEQUENCES PROMOTRICES CONTENANT 213 PB AU MOINS SE SONT REVELES SUFFISANTES   L'AUGMENTATION PAR UN FACTEUR DE 20 DE L'EXPRESSION DU GENE REPORTEUR DANS DES FEUILLES DE TABAC TRANSGENIQUES EXPOSEES   UN FLUX DE 20 L/L D'ETHYLENE. ALORS QUE 141 PB NE FURENT PAS SUFFISANTES. DE MULTIPLES INTERACTIONS ADN-PROTEINES, SPECIFIQUES DE SEQUENCES ET IMPLIquant DES EXTRAITS NUCLEAIRES ISSUS DE PLANTES TRAIT ES OU NON PAR L'ETHYLENE, ONT  TE MISES EN EVIDENCE PAR GEL-RETARDMENT SUR LA REGION PROMOTRICE -863-142. NOUS AVONS PAR LA SUITE CARACTERISE PLUS SPECIQUEMENT LES INTERACTIONS IN VITRO ADN-PROTEINES FORM ES SUR L'ELEMENT PROMOTEUR -237-143. DEUX SITES D'INTERACTIONS ONT  TE MIS EN EVIDENCE ET IDENTIFIES COMME LES SEQUENCES CONTIGUES G (-200-178) ET Y (-179-154). LES FACTEURS INTERAGISSANT FURENT CARACTERISES COMME DEUX ACTIVITES DISTINCTES FRACTIONNEES DE FACON DIFFERENTIELLE PAR CHROMATOGRAPHIE SUR COLONNE D'H PARINE AGAROSE

Depuis ses d buts, il y   50 ans, la biologie mol culaire ne cesse de r volutionner le monde de la biologie par ses nombreuses d couvertes. Les avanc es de cette discipline et leurs multiples implications bouleversent notre vision de l'humain et du vivant et s'accompagnent de d bats cruciaux sur le plan de l' thique m dicale et scientifique.   l'heure o  le s qu n age du g nome humain est achev  avec succ s, la PCR en temps r el, l'interf rence ARN, la g nomique, les puces d'expression, de diagnostic et de s qu n age, la pharmacog n tique, la prot mique, s'imposent comme de nouveaux outils au service de la m decine et de la biologie. Ce livre pr sente le vaste panorama des techniques mol culaires disponibles, leur puissance d'analyse et la complexit  des ph nom nes d couverts. Novateur   plus d'un titre, Principes de biologie mol culaire en biologie clinique fait appara tre l'importance et le statut particulier que la biologie mol culaire tient actuellement dans la pratique de la m decine. En effet, il semble dor navant difficile de n'y voir qu'un genre de techniques, mais plut  une sp cialit  au sein de la biologie mol culaire. Les auteurs exposent les proc d s et les cl s d'interpr tation de mani re transversale car les technologies mol culaires reposent sur les m mes principes, quel que soit le domaine particulier de leur application dans la pratique m dicale. Extremement p dagogique et clair, cet ouvrage s'adresse   un large public :  tudiants en m decine, en pharmacie et en sciences de la vie, biologistes et cliniciens.

Manuel d'initiation   la g n tique humaine, cet ouvrage aborde successivement les rappels de g n tique fondamentale, les concepts de la biologie mol culaire et enfin, en prenant appui sur les d veloppements des chapitres pr c dents, les bases mol culaires de pathologies g n tiques judicieusement choisies pour leur valeur historique. L'accent est mis sur les d marches sp cifiques   la g n tique humaine. Est particuli rement bien trait e la mani re dont les techniques les plus r centes sont appliqu es   l'identification d'un g ne morbide et   la dissection des relations g notype-ph notype. Une des originalit s de ce livre est de mettre en regard le fonctionnement cellulaire normal, expos  en pr ambule, et le fonctionnement pathologique, r sultant d'une mutation dont on  clucide le mode d'action pour l'int grer au processus physiologique global. Chaque chapitre comporte un r sum , des mots cl s, des questions de compr hension. Un lexique clair compl te l'ouvrage destin  tout particuli rement aux professeurs et  tudiants des 1er et 2  cycles en biologie, sciences m dicales et m decine v t rinaire ainsi qu'aux professionnels du secteur de la sant .

Contenu de ce livre: Microstatellite enrichment, Syst me de culture de perfusion minushet, G n ration cruciale de tissus sp cialis s, Biomat riaux s lectionn s favoriser le d veloppement dans un support de tissu, Ensemcement de cellules sur un support de tissu, Conteneurs de culture de perfusion compatibles, R alisation d'exp riences de culture de perfusion, Stabiliation du pH pendant la culture de perfusion, Disponibilit  de l'oxyg ne dans le milieu, Modulation de la teneur en oxyg ne,  limination des bulles de gaz nocives, Large spectre d'applications, MNase-seq, Techniques  tendues, Comparaison avec d'autres tests d'accessibilit  de la chromatine, R sonance plasmonique de surface multi-param trique, Mutagen se (mol culaire technique de biologie), mutagen se al atoire, mutagen se dirig e, mutagen se combinatoire, mutagen se insertionnelle, recombinaison homologue, synth se g n que, Northern blot, proc dure, applications, avantages et inconv nients, vers northern blot, transfert Northwestern, sp cificit s techniques, applications, avantages et inconv nients, test de protection contre les nucl ases, sonde, utilisations, d termination de la structure des acides nucl iques, m thodes biophysiques, sondage chimique, sondage in situ, Cartographie des interf rences des analogues nucl otidiques (NAIM), Restriction des oligom res, Exemple, Probl mes, Relation avec PCR, Oligotypage (s qu n age), Utilisation, Oligotypage (taxonomie), Classification des bact ries, Overlay extension polymerase chain reaction, Splicing of DNA molecules, introduction de mutations, Paired-end tag, Construire la PET biblioth que, PET applications, pBLU, pBR322, Contexte, Peak calling, Perturb-seq, Flux de travail exp rimental, Avantages et limites, Applications,  tiquetage de photoinit e, Cartographie physique, Cartographie basse r solution, S qu n age par clones, Application, Vecteur de transformation des plantes,  tapes de la transformation des plantes, s lection des plasmides, r plication des plasmides, r plication des plasmides, r gion T-DNA, plaque hybridization, plasmide, propri t s et caract ristiques, classifications et types, vecteurs,  pisodes, maintenance des plasmides, plasmides levure, plasmide DNA extraction, Conformations, Logiciels pour la bioinformatique et la conception, Collections de plasmides, Plasmidome, R action en cha ne par polym rase, Principes, Optimisation, Applications, Avantages, Limitations, Variations, PRIME (Probe Incorporation Mediated by Enzymes), Signification, Principes, Ligation, Promoter bashing, pUC19, Compaction, Fonction, M canisme, Utilisation dans la recherche, Centrifugation zonale de fr quence, Amplification de la recombinase polym rase, Technique, Relation avec d'autres techniques d'amplification, Inverse northern blot, Proc dure, Applications, Applications de recherche

Contenu de ce livre: G n tique mol culaire, Techniques en g n tique mol culaire, Techniques de g n tique: Bref r sum . Choix des g nes cibles, Manipulation g n que, Insertion de DNA dans le g nome h te, Ciblage g n que, Outils de g n tique mol culaire humaine, R sum  des technologies courantes utilis  pour l'analyse fonctionnelle du g nome, la transcriptomique, la prot mique et l'interactomique, les syst mes mod les, les techniques de biologie mol culaire, Affinity capture, la num risation d'alanine, l'oligonucl otide sp cifique   un all le, AMPLI, ATAC-seq, une cellule unique ATAC-seq, l'interf rom trie biocoche, Ramifi  DNA analyse, transformation du chlorure de calcium, comptage cellulaire, chambre de chem, plaque et comptage CFU, unit  de formation de colonies, culture cellulaire 3D par levitation magn tique, culture cellulaire, concepts en culture cellulaire de mammif res, applications de culture cellulaire, culture cellulaire en deux dimensions, cellule en trois dimensions, culture de cellules 3D dans des hydrogels, culture de cellules non mammif res, lign es cellulaires communes, milieu d fini chimiquement, Chem-seq, ChIA-PET, s qu n age ChIL

Du g ne de l'immortalit  (des cellules souches embryonnaires) aux g nes dont les mutations sont responsables de pathologies diverses en passant par l'app tit, le langage, etc., la liste de nouveaux g nes mis en  vidence, ces derni res ann es, n'en finit pas. Le lien entre les g nes et les caract res qu'ils gouvernent constitue le coeur de la biologie mol culaire. Les applications et les retomb es sociales de ces connaissances rendent de plus en plus n cessaire la compr hension de cette discipline.  crit, dans un style clair et accessible, par de grands sp cialistes mondiaux de biologie mol culaire dont le Prix Nobel, d couvreur de la double h lice de l'ADN, JD Watson, ce livre en int gre les principaux aspects : les propri t s physicochimiques et les bases structurales des acides nucl iques et des prot ines ; les m canismes de la maintenance et de l'expression du g nome ; les m canismes de r gulation ; les m thodes, Par ailleurs, des approfondissements (th oriques ou exp rimentaux) et des applications en clinique humaine sont propos s sur des domaines   la pointe du progr s. Enfin cet ouvrage se distingue aussi par la large place donn e   l'histoire de cette discipline. La compr hension et l'int gration des connaissances sont facilit es gr ce   : Des sch mas clairs et l gend s, avec une abondante iconographie, Des encadr s « Pour aller plus loin », « Applications en clinique humaine », « Exp riences cl s », « Techniques » qui aiguisent l'int r t du lecteur. Un glossaire-dictionnaire fran ais-anglais comprenant plus de 700 d finitions. Cet ouvrage, qui a b n fici  d'une traduction-actualisation de qualit  gr ce   des traducteurs p dagogues, hautement qualifi s et sp cialis s, constitue un manuel de cours d'initiation parfaitement adapt  pour accompagner l' tudiant d s les premi res ann es de son cursus. Il comblera  galement les attentes de tous les  tudiants de 3  cycle et des chercheurs   la recherche d'un ouvrage de synth se r cent qui comprend les derni res avanc es scientifiques : par exemple, dans les nouveaux chapitres sur les ARN r gulateurs, sur l'analyse du g nome et la biologie des syst mes. Il constituera aussi un support actualis  pour les enseignants.

M moires scientifiques

Biologie mol culaire du g ne - lactamase CARR-3

Biologie mol culaire du g ne

300 QCM et exercices

Mini Manuel de Biologie mol culaire - 4e  d

Biochimie g n tique Biologie mol culaire

Biologie cellulaire et mol culaire

CLONAGE DE GENES IMPLIQUES DANS LA SYNTH SE DES CAROTENES DE MYCOBACTERIUM AURUM ET CLONAGE DE L'ORIGINE DE REPLICATION DU MYCOBACTERIOPHAGE

The Nuclear Receptor FactsBook

Une remise en question du d terminisme g n tique. Une r volution se produit actuellement en biologie. Les  tres vivants ne sont pas gouvern s par un programme g n tique omnipotent. Il est maintenant clairement d montr  que le hasard se niche au coeur des organismes, dans le fonctionnement des g nes et des cellules, et y joue un r le encore largement sous- plor . Alors que pendant longtemps, la biologie a  t  domin e par des th ories finalistes et puis « d terministes », les r sultats exp rimentaux obtenus ces toutes derni res ann es annoncent un changement de perspective radical. La nouvelle biologie, par son caract re probabiliste, rendra caduque l'id e m me de programme et de d terminisme g n tique ; une conception communiqu e qualifi e de th se du « roui g n tique » - forg e   la suite de ce qu'il a d j convenu d'appeler le « dogme central de la biologie mol culaire » (Francis Crick, 1958). Mais, cette nouvelle biologie ne doit pas  tre comprise comme une n gation des acquis ant rieurs de la biologie mol culaire. Bien au contraire, elle constitue une extension de la conception physico-chimique du vivant. Inevitablement, elle aura  galement de profondes cons quences philosophiques. En effet, ce n'est pas seulement le finalisme - religieux ou immanent - qui est de fait  vacu , mais c'est encore la conception cart sienne de l'animal-machine qui doit  tre abandonn e. Si l'homme est une machine, il est aussi un homme-al atoire ! Les principaux aspects, exp rimentaux et th oriques, de cette r volution et les d bats philosophiques qu'elle suscite sont expos s ici par les meilleurs sp cialistes, biologistes et philosophes. La question passionnante qui s'ouvre alors consiste   comprendre comment,   partir du hasard mol culaire, se construit le vivant. Plongez dans une r flexion relative aux cons quences philosophiques d'une r volution de la pens e scientifique : la notion de hasard mol culaire. EXTRAIT La recherche sur le cancer vit un moment d cisif. Il est possible d'y observer d'une part le fonctionnement d'une science « normale », en ce sens que les th ories g n tiques qui servent de paradigme depuis des d cennies se perp tuent en s'adaptant aux donn es sur les cellules souches cancr reuses. Mais d'autre part, l'observateur attentif peut aussi assister   l' l vation d'un certain nombre de vifs discordances qui ne touchent pas jusqu'au j r ni toute implication des alt rations g n tiques dans le d veloppement du cancer. Ces controverses sont le fruit de l'accumulation de r sultats qui vont   l'encontre des th ories g n tiques dominantes. Ces r sultats exp rimentaux d montrent notamment le r le crucial que joue l'environnement cellulaire et tissulaire dans l'initiation et la progression de la maladie.   PROPOS DES AUTEURS Jean-Jacques Kupiec est biologiste mol culaire, Inserm et Centre Cavalh s, ENS Paris. Corr lativement   ses travaux de biologie mol culaire, il est l'auteur de la th orie darwinienne du d veloppement de l'embryon qu'il a propos e d s 1981. Cette th orie introduit le hasard au niveau du fonctionnement de la cellule (notamment le g nome) et la s lection naturelle dans les relations entre cellules (des cellules se diff rencient en fonction de leur micro-environnement, notamment les ressources m taboliques). Sous sa direction, de nombreux auteurs ont contribu    la r daction de cet ouvrage : Guillaume Beslon, Jean-Pascal Capp, Fran ois Chatelain, Alexandre Fuchs, Olivier Gandillon, Jean Guyon, Mathieu Ginest , J r me Glisse, Thomas Heams, Bertrand Laforgue, Laurent Le Guillou, Thierry Martin, Camila Mejia-Perez, Francesca Merlin, Michel Morange, Andras P li, Fran ois P pin et Marc Silberstein.

The FactsBook Series has established itself as the best source of easily accessible and accurate facts about protein groups. They use an easy-to-follow format and are researched and compiled by experts in the field. This Factsbook is devoted to nuclear receptors. The first section presents an introduction and describes the mode of action of the receptors in general. The second section of the book contains detailed entries covering each type of receptor. Entries provide information on: Nomenclature and structure, Isolation, DNA binding properties, Ligands, Expression, Target genes, Knockouts, Disease association, Gene structure, promoter and isoforms, Chromosomal location, Amino acid sequences, Key references

DANS LE BUT DE CLONER LES GENES IMPLIQUES DANS LA SYNTH SE DES CAROTENES DE MYCOBACTERIUM AURUM, UNE BANQUE GENOMIQUE DE CETTE MYCOBACTERIE A  TE CONSTRUITE. DEUX PLASMIDES ISOLEES DE CETTE BANQUE SE SONT REVELES CAPABLES DE RESTAURER LA SYNTH SE DES PIGMENTS CHEZ LES MUTANTS A11 ET NGR9 OBTENUS PAR MUTAGENISATION DE M. AURUM. LES GENES RESPONSABLES DE LA SYNTH SE DE L'ALPHA CAROTENE ET DU LEPROTENE ONT  TE LOCALISES GRACE   L'UTILISATION DU MUTANT NGR9 QUI NE FORME AUCUN DE CES PIGMENTS. L'UTILISATION DU MUTANT ALBINOS A11 A PERMIS LA LOCALISATION DU GENE CODANT POUR LA PHYTOENE DESATURASE, ENZYME QUI CATALYSE LA FORMATION DU LYCOPENE A PARTIR DU PHYTOENE. LES GENES CLONES SONT EGALEMENT CAPABLES DE S'EXPRIMER CHEZ M. SMEGMATIS, M. TUBERCULOSIS ET M. VACCÆ. AFIN DE RESOURE LE PROBLEME LIE   L'INSTABILITE DU PLASMIDE PAL.5000, NOUS AVONS CLONE L'ORIGINE DE REPLICATION DU MYCOBACTERIOPHAGE D29. CETTE DERNIERE CONFERE AUX VECTEURS NAVETTES UNE HAUTE STABILITE SEGREGATIONNELLE CHEZ M. SMEGMATIS

Depuis 1960 environ, les biologistes mol culaires ont d velopp  des m thodes pour identifier, isoler et manipuler les composants mol culaires dans les cellules, y compris DNA, RNA et les prot ines. Contenu de ce livre: CRISPR  dition de g ne, CRISPR, Prime  dition, Anti-CRISPR, Transfection, Gene knock-in, Gene knockout, GeneTalk, Haplirithm, Haplirithmis, Helicase-dependant amplification, Immunoprecipitation, Focalisation isolectrique, Isopeptag, Jumping library, Knockout moss, Kodecay, Codevion, R action en cha ne par ligase, Ligation (biologie mol culaire), Assist e par un aimant transfection, MassTag-PCR, S qu n age de Maxam-Gilbert, M thodes pour  tudier les interactions prot ine-prot ine, Mati re noire microbiome, Microstatellite enrichment, Syst me de culture de perfusion minushet, MNase-seq, R sonance plasmonique de surface multi-param trique, Mutagen se (technique de biologie mol culaire), Northern blot, Northwestern blot, Test de protection contre les nucl ases, D termination de la structure des acides nucl iques, Restriction d'oligonu es, Oligotypage (s qu n age), Oligotypage (taxonomie), Chevauchement de la cha ne de polym rase d'extension r action, Paired-end tag, pBLU, pBR322, Peak calling, Perturb-seq, Marquage de photoinit e, Cartographie physique, Vecteur de transformation v g tale, Plaque hybridization, Plasmide, Plasmidome, R action en cha ne par polym rase, PRIME (Probe Incorporation Mediated by Enzymes), Promoter bashing, pUC19, Centrifugation zonale de taux, Amplification par polym rase de recombinase, Inverse northern blot, Inverse transfection, Analyse des espaces ribosomiques interg n ques, Ribosome profilage, RNase H-d pendante PCR, Transcription   l' coulement, Sanger s qu n age, S lection et analyse de liaison d'amplification, S qu n age de cellule unique, Single- s qu n age de brins de matrice de cellules DNA, transcriptomique unicellulaire, SMILE-Seq, snRNA-seq, Sono-Seq, Southern blot, Southwestern blot, Sondage isotopique stable, Processus d'extension  chelonn e, Strep-tag, Streptamer, Subcloning, Test immunologique sur fibre optique Surround, Technologie de matrice de suspension, Recadrage synchrone, TA cloning, TBST, TCP-seq, Toeprinting assay, Inf rence de trajectoire, Microscopie  lectronique   transmission DNA s qu n age, Univex, VectorDB, Test de viabilit , ViroCap, Western blot, Western blot normalisation

Depuis d j plusieurs d cennies, nous sommes en mesure d'identifier les cellules responsables de diverses maladies m diennes. La d couverte des g nes responsables de ces maladies permet non seulement un meilleur diagnostic clinique pour ces familles, mais aussi de mieux comprendre les m canismes physiopathologiques de ces maladies ainsi que mieux d fin